**Приложение 6.** Построенное методом максимальной экономии (MP) дерево гаплотипов для 987 пар нуклеотидов фрагмента контрольного района митохондриальной ДНК, которые были выявлены в популяциях ленка рода *Brachymystax* из Китая и Южной Кореи. Острорылый и тупорылый ленки представлены популяциями из рек бассейна р. Амур на территории Китая и одной особью тупорылого ленка из бассейна Амура в России



**Примечание.** Шкала: число мутационных шагов.