УДК 577.122:615.355

# Механизмы регуляции Р-гликопротеина в условиях экзогенного и эндогенного окислительного стресса *in vitro*

Ю. В. Абаленихина\*, А. В. Щулькин, П. Ю. Мыльников, Е. Д. Рокунов, Е. Н. Якушева Рязанский государственный медицинский университет имени академика И.П. Павлова Министерства здравоохранения Российской Федерации, Рязань, 390026 Россия

\*E-mail: abalenihina88@mail.ru Поступила в редакцию 28.06.2022 Принята к печати 11.08.2022 DOI: 10.32607/actanaturae.11759

РЕФЕРАТ На клетках линии Сасо-2 изучены механизмы регуляции белка-транспортера Р-гликопротеина (Рдр) в условиях экзогенного и эндогенного окислительного стресса (ОС). Экзогенный ОС моделировали, добавляя в питательную среду пероксид водорода в концентрации 0.1, 0.5 и 1 мкМ на 24 ч и 10 мкМ на 72 ч. Эндогенный ОС моделировали, инкубируя клетки с DL-бутионинсульфоксимином (БСО, ингибитор ү-глутамилцистеин-синтетазы) в концентрации 10, 50 и 100 мкМ в течение 24 ч. Уровень внутриклеточных активных форм кислорода оценивали с помощью флуоресцентных зондов MitoTracker Red CM-H, XRos, относительное количество Pgp анализировали методом вестерн-блотинга. Показано, что развитие экзогенного и эндогенного ОС приводит к увеличению относительного количества Рдр. С использованием специфических ингибиторов установлена важная роль сигнального пути Nrf2-Keap1 в повышении количества Pgp в условиях моделирования экзогенного ОС пероксидом водорода. Транскрипционный фактор HIF1 участвует в регуляции количества Pgp в условиях 24-часового экзогенного ОС, а транскрипционный фактор САК – при 72-часовом ОС, РХК, видимо, не вносит существенного вклада в регуляцию белка-транспортера в данной модели. В условиях эндогенного ОС все протестированные транскрипционные факторы и сигнальные пути участвуют в индукции Рдр. Скорее всего, это связано с бимодальным влиянием БСО на Рдр. С одной стороны, БСО вызывает развитие ОС, с другой, будучи ксенобиотиком, может стимулировать РХВ и САВ, которые, в свою очередь, повышают количество Рдр.

**КЛЮЧЕВЫЕ СЛОВА** Р-гликопротеин, окислительный стресс, вестерн-блотинг, клетки линии Caco-2, Nrf2, HIF1a, CAR, PXR.

СПИСОК СОКРАЩЕНИЙ  $A\Phi K$  — активные формы кислорода; BCO - DL-бутионинсульфоксимин; DC - DL-бутионин; DC - DL-бутионинсульфоксимин; DC - DL-бутионин

#### **ВВЕДЕНИЕ**

Р-гликопротеин (Pgp, ABCB1) — продукт гена множественной лекарственной устойчивости (MDR1) — ATP-зависимый белок-транспортер, локализованный на цитоплазматических мембранах энтероцитов кишечника, гепатоцитов, эпителиальных клеток почечных канальцев, эндотелиальных клеток гистогематических барьеров [1].

Рдр обладает широкой субстратной специфичностью и работает как транспортер оттока, ограничивая проникновение в клетку веществ, служащих его субстратами, таких, как противоопухолевые, гипотензивные, антигистаминные лекарственные средства, сердечные гликозиды, антиагреганты,

антикоагулянты, стероидные и тиреоидные гормоны, антибиотики, ингибиторы протеиназы ВИЧ, иммунодепрессанты. Учитывая эти свойства, принято считать, что Pgp играет важную роль в защите опухолевых клеток от цитостатиков (формирование множественной лекарственной устойчивости опухолей), в ограничении транспорта субстратов в ткани плода и забарьерные органы (головной мозг, тестикулы), а также участвует в фармакокинетике (всасывании, распределении, выведении) лекарственных веществ [2, 3].

Активность и экспрессия Pgp могут изменяться под воздействием ряда веществ и факторов. Например, изменение экспрессии Pgp наблюдается

в гематоэнцефалическом барьере при неврологических (эпилепсия) заболеваниях [4] и в клетках рака желудка, остеосаркомы [5, 6].

Окислительный стресс (ОС) - типовой патологический процесс, возникающий в результате сдвига баланса между оксидантами и антиоксидантами в пользу оксидантов, что приводит к нарушению окислительно-восстановительной сигнализации и контроля и/или к повреждению биомакромолекул [7]. ОС играет важную роль в патогенезе широкого спектра заболеваний, включая сердечно-сосудистые, онкологические, бронхолегочные, офтальмологические и т.д. [8]. Показано, что инкубация культуры гепатоцитов крысы с  $H_2O_2$  (0.5-1 мМ, 72 ч) вызывает повышение экспрессии гена Рдр, количества и активности кодируемого им белка-транспортера [9]. Установлено также, что воздействие Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> в концентрации до 500 мкМ в течение 48 ч на первичную культуру клеток эндотелия крыс приводит к повышению экспрессии Рдр и в меньшей степени влияет на активность белка-транспортера [10]. В то же время обработка клеток hCMEC/D3 (модель гематоэнцефалического барьера in vitro) H<sub>2</sub>O<sub>2</sub> (0.5-5 мМ, 20 мин) снижает транспортную активность Рдр [11]. На культуре эндотелиальных клеток сосудов головного мозга крыс показано, что Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> в концентрации 200 мкМ вызывает развитие ОС и повышает экспрессию мРНК генов mdr1a и mdr1b, кодирующих Рдр, а также синтез самого белка Рдр. Предварительная обработка клеток полиэтиленгликоль-каталазой нивелировала данные изменения [12]. Воздействие ингибитора каталазы 3-амино-1,2,4-триазола (2-4 мМ в течение 72 ч или 10 мМ, 1 ч) на гепатоциты крысы приводило к усилению экспрессии мРНК mdr1b и Pgp [9]. Напротив, антиоксиданты (1 мМ аскорбат, 10 мМ маннит) заметно подавляли экспрессию мРНК mdr1b и избыточную экспрессию Рдр [13, 14]. Культивирование клеток Сасо-2 в среде, содержащей 1 мкмоль/л Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub>, повышало экспрессию в них Рдр, тогда как НоОо в концентрации 10 ммоль/л приводила к снижению экспрессии транспортера [15]. Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> усиливал экспрессию Рдр в митохондриях клеток D407 (эпителиальный сегмент сетчатки), в то время как антиоксиданты ее подавляли [16].

В исследованиях, выполненных в нашей лаборатории на клетках линии Сасо-2, показано, что кратковременное (3 ч) воздействие  $\mathrm{H_2O_2}$  в концентрации 10 и 50 мкМ приводило к понижению активности Pgp, а в концентрации 100 мкМ — еще и к снижению количества белка-транспортера. Увеличение длительности экспозиции до 24 и 72 ч выявило индукцию Pgp при низких концентрациях  $\mathrm{H_2O_2}$  (0.1—1 мкМ, 24 ч и 10 мкМ, 72 ч), а также

снижение количества и активности Pgp при повышении концентрации H<sub>2</sub>O<sub>2</sub> до 100 мкМ и выше [17].

Таким образом, в большинстве исследований показано, что воздействие прооксидантов повышает экспрессию и активность Pgp, которые могут подавляться при срыве адаптационных процессов и развитии декомпенсированного ОС.

Считается, что снижение количества Рдр в условиях ОС связано с повреждением молекулы белка-транспортера активными формами кислорода (АФК), однако механизмы повышения экспрессии Рдр не установлены. Предполагается, что в этом процессе могут участвовать транскрипционные факторы Nrf2 и HIF1 [17, 18]. Цель нашей работы состояла в изучении механизмов регуляции Рдр при развитии ОС.

#### ЭКСПЕРИМЕНТАЛЬНАЯ ЧАСТЬ

#### Культивирование клеток

В работе использовали линию клеток Сасо-2 аденокарциномы ободочной кишки человека (ЦКП «Коллекция культур клеток позвоночных», Санкт-Петербург, Россия). Клетки культивировали при 37°С и 5% содержании СО, в инкубаторе WS-189C (World Science, Корея) в модифицированной по способу Дульбекко среде Игла (DMEM) с высоким содержанием глюкозы (4500 мг/л) с добавлением L-глутамина (4 мМ), 15% эмбриональной бычьей сыворотки, 100 ед./мл и 100 мкг/мл пенициллина и стрептомицина (все Sigma-Aldrich, США). Клетки высевали в шестилуночные планшеты (Corning, США), площадь поверхности лунки 9.6 см², количество клеток в лунке  $-1.8-2.0 \times 10^6$ , рабочий объем питательной среды – 1.5 мл. Клетки культивировали в течение 21 сут, поскольку на данном сроке происходит их спонтанная дифференцировка в энтероцитоподобные клетки, сверхэкспрессирующие Рдр [19].

В ходе исследования были сформированы следующие экспериментальные группы:

- 1) контроль (n=3) клетки инкубировали в питательной среде с добавлением в эквивалентном объеме воды для инъекций (растворитель  $H_2O_2$  и БСО);
  - 2) индукция Рдр в условиях моделирования ОС.

Экзогенный ОС моделировали, добавляя в питательную среду  ${\rm H_2O_2}$  в концентрации 0.1, 0.5, 1 мкМ на 24 ч (5–50 × 10<sup>-17</sup> моль/клетка) и 10 мкМ на 72 ч (5 × 10<sup>-15</sup> моль/клетка).

Эндогенный ОС воспроизводили с помощью ингибитора синтеза глутатиона — DL-бутионинсульфоксимина (БСО, ингибитор  $\gamma$ -глутамилцистеинсинтетазы) [20] в конечной концентрации 10,

50 и 100 мкМ в питательной среде ( $5-50 \times 10^{-15}$  моль/клетка).

Концентрации прооксидантов и длительность экспозиции выбирали в соответствии с результатами предварительных экспериментов, в которых было доказано их индуцирующее действие на Pgp [17, 21].

- 3) Ингибирование ОС одновременно с добавлением прооксидантов в питательную среду вносили глутатион в концентрации 1 мМ [22].
- 4) Оценка роли Nrf2-опосредованного механизма в индукции Pgp при развитии ОС к клеткам в питательную среду за 30 мин до добавления  $\mathrm{H_2O_2/ECO}$  вносили ингибитор N-(1,3-бензодиоксол-5-илметил)-5-(4-фторфенил)-тиено[2,3-d]пиримидин-4-амин (AEM1, Sigma-Aldrich) в концентрации 5 мкМ [23].
- 5) Оценка роли HIF1-опосредованного механизма в индукции Pgp при развитии OC к клеткам в питательную среду за 30 мин до добавления  $\rm H_2O_2/ECO$  вносили N,N'-(дисульфандиилбис(этан-2,1-диил))-бис(2,5-дихлорбензолсульфонамид) (КС7F2, Sigma-Aldrich) в концентрации 7.5 мкМ [24].
- 6) Оценка роли САR-опосредованного механизма в индукции Pgp при развитии ОС к клеткам в питательную среду за 30 мин до добавления  $\rm H_2O_2/$  БСО вносили ингибитор этиловый эфир [5-[(диэтиламино)ацетил]-10,11-дигидро-5H-дибензо[b,f]азепин-3-ил]-карбаминовой кислоты (CINPA1, TOCRIS, Великобритания) в концентрации 10 мкМ [25].
- 7) Оценка роли РХR-опосредованного механизма в индукции Рgp при развитии ОС к клеткам в питательную среду за 30 мин до добавления  ${\rm H_2O_2/\ BCO}$  вносили кетоконазол, 10 мкМ (Sigma-Aldrich) [26].

Каждый эксперимент выполняли в трех повторностях. При экспозиции в течение 72 ч смену питательной среды, содержащей прооксидант и ингибитор, проводили каждые 24 ч.

# Сверхпродукцию АФК под действием прооксидантов подтверждали с помощью флуоресцентных зондов

Клетки культивировали в 24-луночных планшетах. После инкубации с  ${\rm H_2O_2}$  в течение 3 ч и с БСО в течение 24 ч в тестируемых концентрациях уровень внутриклеточных АФК оценивали с помощью окрашивания клеток MitoTracker Red CM- ${\rm H_2}$  XRos (Invitrogen, США). Зонды MitoTracker Red (нефлуоресцентная форма) содержат восстановленный дигидроксирозамин, который проникает в живые клетки, связывается с тиоловыми группами в митохондриях и флуоресцирует при окислении АФК.

Клетки визуализировали с помощью инвертированного микроскопа Olympus CKX-53 (Olympus,

Япония), затем снимали с лунок и лизировали с помощью 0.2% Triton X-100 (Sigma-Aldrich; https://www.thermofisher.com/order/catalog/product/M7513). Уровень свободных радикалов в лизате клеток определяли по интенсивности флуоресценции ( $\lambda_{\rm ex}=579$  нм,  $\lambda_{\rm em}=599$  нм) с помощью спектрофлуориметра (Shimadzu RF-6000, Япония) и пересчитывали на количество клеток (счетчик и анализатор жизнеспособности клеток Countess 3 Automated Cell Counter, США).

В остальных экспериментах клетки культивировали в шестилуночных планшетах.

#### Получение полных клеточных лизатов

После окончания экспозиции с Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> и БСО клетки снимали с лунок шестилуночных планшетов раствором трипсин-ЕDTA (0.25% трипсина и 0.2% EDTA, Sigma-Aldrich), трижды промывали раствором фосфатного буфера (BioRad, США) и лизировали в NP40 Cell Lysis Buffer Thermo (Thermo Fisher Scientific, США) с добавлением смеси ингибиторов протеиназ 4-(2-аминоэтил)бензолсульфонилфторид гидрохлорид (AEBSF) 2 мМ, апротинин 0.3 мкМ, бестатин 130 мкМ, ЕDTA 1 мМ, транс-эпоксисукцинил-L-лейциламидо(4-гуанидино)бутан (E-64) 14 мкM, лейпептин 1 мкМ, Sigma-Aldrich) в течение 30 мин при +4°C и постоянном перемешивании из расчета 107 клеток на 100 мкл буфера. Полученный лизат центрифугировали при 5000 g (СМ-50, Eppendorf, Германия). Супернатант использовали для выполнения биохимических анализов.

Количество белка в пробах анализировали методом Брэдфорд (Pierce Coomassie Plus (Bradford) Assay Kit, ThermoFisher, США) [27].

### Определение относительного количества Pgp в клетках линии Caco-2 методом вестернблотинга

Белки супернатанта (20 мкг) подвергали электрофорезу с использованием 7.5% TGX Stain-Free FastCast Acrylamide Kit (BioRad, CША) в буферной системе Laemmli (BioRad). Образцы смешивали с буфером Laemmli, содержащим 50 мМ β-меркаптоэтанола (Helicon, США) в соотношении 1:3, инкубировали в течение 10 мин при 70°С. Электрофорез проводили при 100 В в течение 90 мин.

Белки переносили на нитроцеллюлозную мембрану (Trans-Blot Turbo Mini-Size nitrocellulose, BioRad) с использованием Mini Trans-Blot (BioRad) в течение 10 мин при 25 В и 1.3 А.

Белки на мембране блокировали 1% раствором Casein Blocker (BioRad), содержащим 0.1% Tween-20 (Sigma, Германия), в течение 1 ч и комнатной температуре.

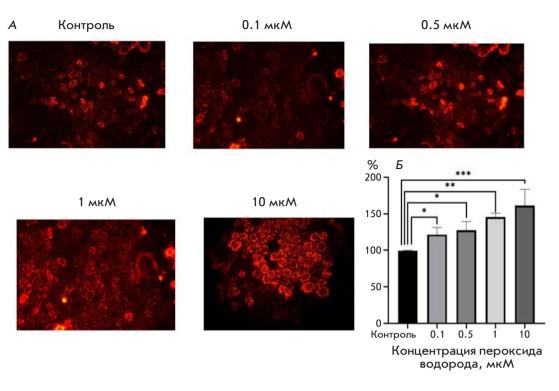


Рис. 1. Изменение уровня АФК под действием пероксида водорода (Н,О,) в клетках линии Caco-2. A- oкpaшивание с помощью MitoTracker Red СМ-H, XRos, увеличение  $\times 400$  раз. Б – интенсивность флуоресценции в лизате клеток.  $p \le 0.05; p < 0.01;$ \*\*\**p* ≤ 0.001 по сравнению с контролем (тест Даннетта)

Белок Рдр детектировали с использованием первичных моноклональных антител мыши (P-Glycoprotein Antibody MA5-13854, Invitrogen) в концентрации 1:200 в блокирующем растворе Casein blocker (BioRad) в течение 2 ч при 37°С. Первичные антитела визуализировали с использованием вторичных антител кролика (Rabbitanti-Mouse IgG (H+L) Secondary Antibody, HRP, Invitrogen) в разведении 1:4000 и инкубации в течение 1 ч при комнатной температуре. Хемилюминесценцию фиксировали с использованием ChemiDocXRS+ (BioRad). Интенсивность полос определяли денситометрически с помощью программного обеспечения ImageLab (BioRad).

Молекулярная масса Pgp подтверждена путем сравнения с маркерами молекулярной массы (Precision plus protein standards Dual Color, BioRad).

Содержание Рдр нормировали по содержанию белка домашнего хозяйства GAPDH (первичные антитела GAPDH Loading Control Monoclonal Antibody (GA1R), DyLight 68 (Invitrogen), разведение 1:1000, вторичные кроличьи антитела — Rabbit-anti-Mouse IgG (H+L) Secondary Antibody, HRP (Invitrogen), разведение 1:4000).

#### Статистический анализ

Полученные результаты анализировали с помощью программного обеспечения GraphPad Prism 8. Результаты представлены как среднее значение  $\pm$  стандартное отклонение (M $\pm$ SD). Статистическую значимость различий оценивали с помощью диспер-

сионного анализа (ANOVA), попарные сравнения выполняли с помощью теста Даннетта. Статистически значимыми считали различия при p < 0.05.

#### **РЕЗУЛЬТАТЫ**

### Продукция АФК при моделировании окислительного стресса

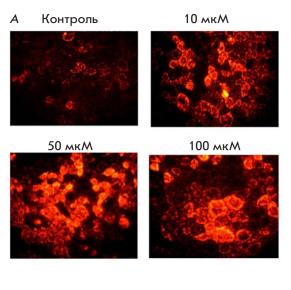
Экспозиция клеток линии Caco-2 с  $\mathrm{H_2O_2}$  в диапазоне концентраций 0.1, 0.5, 1.0, 10 мкМ в течение 3 ч приводила к повышению интенсивности флуоресценции клеток после окраски MitoTracker Red CM- $\mathrm{H_2}$  XRos на 21.5 (p=0.05), 27.3 (p=0.046), 45.4 (p=0.004), 61.1% (p=0.001) соответственно по сравнению с контролем, принятым за 100% (puc.~1).

Аналогичным образом при воздействии БСО в концентрациях 10, 50 и 100 мкМ в течение 24 ч интенсивность флуоресценции клеток Сасо-2 после окраски MitoTracker Red CM-H $_2$  XRos возрастала на 38.8 (p=0.001), 46.5 (p=0.0004) и 70.2% (p=0.0001) соответственно по сравнению с контролем ( $puc.\ 2$ ).

Полученные результаты свидетельствуют о повышении продукции  $A\Phi K$  в используемых экспериментальных моделях.

## Изменение относительного количества Pgp в клетках линии Caco-2 в условиях экзогенного и эндогенного окислительного стресса

Воздействие  $H_2O_2$  (моделирование экзогенного ОС) в течение 24 ч в концентрации 0.1, 0.5 и 1 мкМ вызывало повышение количества



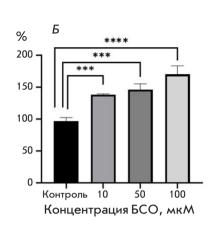
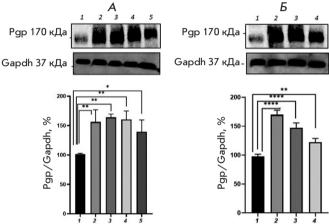


Рис. 2. Изменение уровня АФК под действием DL-бутионинсульфоксимина в клетках линии Caco-2. A — окрашивание с помощью MitoTracker Red CM- $H_2$  XRos, увеличение  $\times$  400 раз. B — интенсивность флуоресценции в лизате клеток. \*\*\*p  $\leqslant$  0.001; \*\*\*\*p  $\leqslant$  0.0001 по сравнению с контролем (тест Даннетта)



Рдр 170 кДа

Рдр 170 кДа

Оприворов В 150

Оприворов В 1

Рис. 3. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при воздействии  $H_2O_2$  (A, экзогенный окислительный стресс) и DL-бутионинсульфоксимина (B, эндогенный окислительный стресс). A) 1 — контроль; 2, 3, 4, 5 — пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (72 ч), 10,

Рис. 4. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при воздействии  $H_2O_2$  (A, экзогенный окислительный стресс) и DL-бутионинсульфоксимина ( $\mathcal{E}$ , эндогенный окислительный стресс) в сочетании с глутатионом (1 мМ). A) 1 — контроль; 2, 3, 4, 5 — пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (72 ч), 0.1, 0.5 и 1 мкМ (24 ч) соответственно;  $\mathcal{E}$ ) 1 — контроль; 2, 3, 4 — DL-бутионинсульфоксимин в концентрации 10, 50 и 100 мкМ (24 ч) соответственно. \*\*p < 0.01, статистически значимые отличия от контроля (тест Даннетта)

Рgр на 78.9 (p=0.0013), 67.1 (p=0.0019) и 44.6% (p=0.029) соответственно ( $puc.\ 3A$ ) по сравнению с контролем. Увеличение длительности экспозиции до 72 ч приводило к повышению уровня Рgр при концентрации  ${\rm H_2O_2}\ 10$  мкМ — на 68.9% (p=0.0033) по сравнению с контролем ( $puc.\ 3A$ ).

Инкубация клеток линии Caco-2 с БСО (моделирование эндогенного стресса) в концентрации 10, 50 и 100 мкМ в течение 24 ч приводила к увеличению относительного количества Pgp на 71.6 (p < 0.0001),

51.6~(p < 0.0001) и 25.4%~(p = 0.007) соответственно (puc.~3E).

При увеличении экспозиции до 72 ч эффект БСО нивелировался и количество Pgp не отличалось значимо от показателей в контроле.

Добавление GSH в концентрации 1 мМ в питательную среду с  ${\rm H_2O_2}$  при всех концентрациях и сроках инкубации предотвращало повышение количества Pgp; его уровень не отличался значимо от показателей в контроле (puc.~4A).

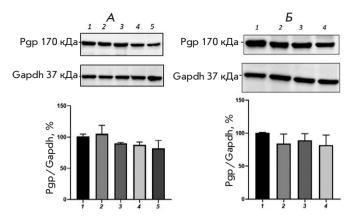


Рис. 5. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при одновременном воздействии ингибитора ядерного фактора эритроидного происхождения 2 (AEM1, 5 мкМ) и  ${\rm H_2O_2}$  (A) или DL-бутионинсульфоксимина (Б): A) 1 – контроль; 2, 3, 4, 5 – пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (72 ч), 0.1, 0.5 и 1 мкМ (24 ч) соответственно; E) E0 – контроль; E1, E3, E4 – E5 – E4 – E5 – E5 и 1 мкМ (24 ч) соответственно; E6 и 100 мкМ (24 ч) соответственно

При сочетанном использовании 1 мМ глутатиона и БСО в концентрации 100 мкМ и инкубации в течение 24 ч относительное количество Pgp возрастало на 19.7% (p=0.003) по сравнению с контролем, однако это повышение было менее выраженным, чем при изолированном применении прооксиданта. При этом GSH предотвращал повышение уровня Pgp, вызванное воздействием БСО в течение 24 ч в более низких концентрациях 10 и 50 мкМ (puc. 45).

Таким образом, воздействие  $H_2O_2$  и БСО на клетки линии Сасо-2 (моделирование экзогенного и эндогенного ОС) приводит к повышению количества Pgp, а применение эндогенного антиоксиданта глутатиона нивелирует данную индукцию, за исключением воздействия БСО (100 мкМ) в течение 24 ч.

#### Изучение механизмов повышения количества Рдр под действием пероксида водорода и *DL*-бутионинсульфоксимина

Механизмы, приводящие к повышению количества Pgp в условиях экзогенного и эндогенного ОС, изучали с использованием ингибиторов транскрипционных факторов Nrf2 — AEM1, HIF1a — KC7F2, CAR — CINPA1, PXR — кетоконазола, стимулирующих экспрессию гена MDR1, кодирующего Pgp.

Ингибитор Nrf2 – AEM1 (5 мкМ) при совместной инкубации с  $H_2O_2$  при всех концентрациях и сроках экспозиции предотвращал повышение относительного количества Pgp, его уровень не отличался ста-

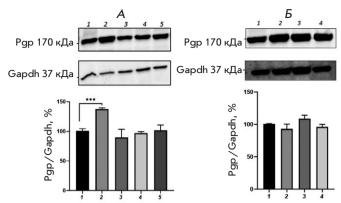


Рис. 6. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при воздействии ингибитора фактора, индуцируемого гипоксией HIF1a (КС7F2, 7.5 мкМ) в сочетании с  $H_2O_2$  (A) и DL-бутионинсульфоксимином (E): A) E - контроль; E, E, E, E, E - пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (E2 ч), 0.1, 0.5 и 1 мкМ (E4 ч) соответственно; E6) E7 - контроль; E7, E8, E9 - E9 и 100 мкМ (E4 ч) соответственно. \*\*\*E9 < 0.001, статистически значимые отличия от значений в контроле (тест Даннетта)

тистически значимо от уровня в контроле (puc. 5A).

Добавление к клеткам AEM1 в сочетании с БСО (10, 50 и 100 мкМ) и инкубации в течение 24 ч также препятствовало повышению относительного количества Pgp (уровень белка-транспортера не отличался от значений в контроле) (рис. 5Б).

Ингибитор HIF1а KC7F2 (7.5 мкМ) препятствовал повышению уровня транспортера в присутствии  ${\rm H_2O_2}$  (24 ч, все использованные концентрации) – относительное количество Pgp не отличалось статистически значимо от значений в контроле. При инкубации в течение 72 ч KC7F не влиял значимо на относительное количество Pgp — его содержание увеличивалось на 37% относительно значений в контроле (p=0.0004) (puc. 6A).

Добавление КС7F2 к клеткам, инкубируемым с БСО (10, 50 и 100 мкМ), также приводило к нормализации относительного количества Pgp, его уровень не отличался статистически значимо от уровня в контроле ( $puc.\ 6B$ ).

Добавление ингибитора CAR CINPA1 (10 мкМ) к клеткам, инкубируемым в присутствии 0.1, 0.5 и 1 мкМ  ${\rm H_2O_2}$  в течение 24 ч, не подавляло эффект прооксиданта: относительное количество Pgp увеличивалось на 51.5 (p=0.0008), на 46.5 (p=0.0019), на 31.3% (p=0.02) соответственно по сравнению со значениями в контроле ( $puc.\ 7A$ ).

Однако при длительности воздействия 72 ч CINPA1 препятствовал повышению уровня Рgp под действием 10 мкМ  $H_{\rm 2}O_{\rm 2}$  (puc.~7A).

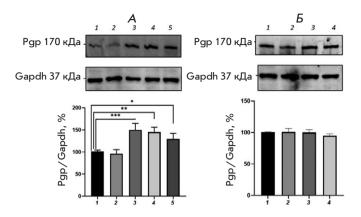


Рис. 7. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при воздействии ингибитора конститутивного андростанового рецептора CAR (CINPA1, 10 MKM) в сочетании с  $H_3O_3$  (A) и DLбутионинсульфоксимином (Б): А) 1 - контроль; 2, 3, 4, 5 – пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (72 ч), 0.1, 0.5 и 1 мкМ (24 ч) соответственно; Б) 1 – контроль; 2, 3, 4 – DL-бутионинсульфоксимин в концентрации 10, 50 и 100 мкМ (24 ч) соответственно. \*p < 0.05; \*\*p<0.01; \*\*\*p < 0.001, статистически значимые отличия от контроля (тест Даннетта)

СINPA1 при его совместном применении с БСО логий различного генеза. Причина развития ОС мо-(10, 50 и 100 мкМ) предотвращал повышение отножет быть экзогенной (воздействие прооксиданта) и/ сительного количества Рдр, уровень белка-трансили эндогенной (подавление внутриклеточной антипортера не отличался значимо от показателей оксидантной защиты) [28].

Ингибитор РХR кетоконазол (10 мкМ) при его совместном применении с Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> не подавлял эффект индуктора окислительного стресса. Относительное количество Рдр возрастало на 64.6, 53.5 и 36.4% при воздействии  $H_2O_2$  (24 ч, 0.1, 0.5 и 1 мкМ) и на 62.6% при воздействии  ${\rm H_2O_2}$  (72 ч, 10 мкМ) соответственно. p < 0.0001 в каждой серии опытов,

В то же время кетоконазол предотвращал повышение количества Рдр под действием БСО в концентрации 100 мкМ и не влиял на эффекты прооксиданта в концентрациях 10 и 50 мкМ, уровень Рдр повышался на 18.8 (p = 0.0027) и 14.1% (p = 0.015) соответственно по сравнению с контролем (рис. 8Б).

Таким образом, при развитии экзогенного ОС (Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub>) регуляция Рдр осуществляется в основном через сигнальный путь Nrf2-Keap1, тогда как в случае эндогенного ОС (БСО) в регуляции Рдр принимают участие все изученные транскрипционные факторы.

#### ОБСУЖДЕНИЕ

в контроле (рис. 7Б).

Окислительный стресс - это редокс-зависимый процесс, на фоне которого протекает множество пато-

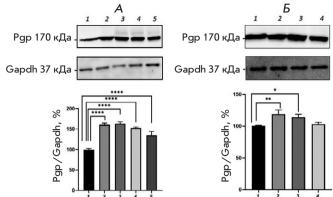


Рис. 8. Относительное количество Р-гликопротеина в клетках линии Сасо-2 при воздействии ингибитора Х-рецептора прегнана (кетоконазол, 10 мкМ) в сочетании с  $H_2O_2(A)$  и DL-бутионинсульфоксимином (Б): A) 1 – контроль; 2, 3, 4, 5 – пероксид водорода в концентрации 10 мкМ (72 ч), 0.1, 0.5 и 1 мкМ (24 ч) соответственно; 5) 1 – контроль; 2, 3, 4 - DL-бутионинсульфоксимин в концентрации 10, 50 и 100 мкМ (24 ч) соответственно. \*p < 0.05;  $^{**}p < 0.01; \, ^{****}p < 0.0001, \,$ статистически значимые отличия от контроля (тест Даннетта)

В настоящем исследовании экзогенный ОС моделировали добавлением к клеткам линии Сасо-2 пероксида водорода. Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> способен проникать через клеточные мембраны. При взаимодействии с металлами переменной валентности (Fe<sup>2+</sup> или Cu<sup>+</sup>) в ходе реакций Фентона и Хабера-Вайса Н,О, образует в клетках кислородсодержащие высокотоксичные свободные радикалы (гидроксильный радикал ОН и супероксид-анион О, ), которые могут вызывать окислительные повреждения биомакромолекул клетки [29]. Учитывая использованный в работе микромолярный диапазон концентраций Н<sub>2</sub>О<sub>2</sub> и быструю скорость элиминации Н,О, клетками [30], выявленные изменения количества Рдр, скорее всего, обусловлены сигнальными каскадами, которые запустил прооксидант.

Эндогенный ОС воспроизводили инкубацией клеток с БСО, который ингибирует фермент ү-глутамилцистеин-синтетазу (ү-GCS), играющий ключевую роль в синтезе и поддержании клеточного уровня глутатиона. Глутатион (GSH) – тиолсодержащий трипептид, обладающий собственной антиоксидантной активностью и необходимый для функционирования антиоксидантных ферментов (глутатионпероксидазы, глутатион-S-

трансферазы). Снижение уровня эндогенного глутатиона уменьшает емкость эндогенной антиоксидантной системы, что провоцирует развитие ОС [31].

Динамика развития ОС подтверждена в нашем исследовании путем детекции АФК по интенсивности флуоресценции MitoTracker Red CM- ${\rm H_2}$  XRos. При воздействии  ${\rm H_2O_2}$  повышение АФК наблюдалось уже через 3 ч, в то время как БСО повышал концентрацию АФК через 24 ч экспозиции, когда происходило истощение эндогенного пула глутатиона.

Развитие как экзогенного, так и эндогенного ОС приводило к повышению относительного количества Рдр. При этом добавление антиоксиданта глутатиона к клеткам вместе с используемыми прооксидантами предотвращало индукцию Рдр под действием  ${\rm H_2O_2}$  и снижало (100 мкМ) или подавляло (10 и 50 мкМ) ее под действием БСО.

Частичное подавление индукции Pgp под действием глутатиона может быть связано с тем, что БСО, будучи ксенобиотиком, сам может повышать количество Pgp за счет стимуляции экспрессии гена MDR1.

На данный момент известно несколько механизмов регуляции Pgp, основным из которых является изменение экспрессии гена *MDR1*, кодирующего белок-транспортер [31].

В ходе настоящего исследования была оценена роль транскрипционных факторов Nrf2, HIF1a, CAR и PXR, которые активируются при окислительном стрессе [17, 33–35] и гипотетически могут повышать экспрессию Pgp.

Сигнальный путь Nrf2 считается основным механизмом регуляции антиоксидантной защиты клетки при ОС. В физиологических условиях ядерный фактор транскрипции Nrf2 входит в состав комплекса Keap1-Nrf2-Cullin-3, что обеспечивает его локализацию в цитозоле и блокирует специфическую активность. Nrf2 является редоксчувствительным транскрипционным фактором, при окислении SH-групп в составе Keap1 происходит активация фактора, его транслокация в ядро и изменение биологических эффектов — индукция антиоксидантных ферментов [36].

Фактор, индуцируемый гипоксией (HIF1) — это транскрипционный фактор, играющий ключевую роль в адаптации клеток к снижению содержания кислорода в тканях [37]. HIF1 представляет собой гетеродимер, состоящий из двух белковых субъединиц — HIF1α и HIF1β. Функциональный статус HIF1 определяется экспрессией и активностью его α-субъединицы, регуляция которой осуществляется на нескольких уровнях: транскрипции, трансля-

ции, посттрансляционных изменений, транслокации в ядро [38]. В условиях нормоксии кислород-зависимые пролингидроксилазы модифицируют пролин в структуре HIF1 $\alpha$ . При ОС пролингидроксилазы неактивны, в этих условиях  $\alpha$ - и  $\beta$ -субъединицы способны связываться друг с другом, проникать в ядро и активировать экспрессию целевых генов.

Конститутивный андростановый рецептор (CAR, NR1I3, подсемейство 1, группа I, член 3) и X-рецептор прегнана (PXR, steroid and xenobiotic receptor – SXR, R1I2 – Nuclear Receptor Subfamily 1, Group I, Member 2) – входят в суперсемейство ядерных рецепторов, представленное в основном факторами транскрипции [39].

Эти рецепторы локализуются преимущественно в печени и кишечнике, где регулируют экспрессию ферментов I фазы биотрансформации, таких, как изоферменты СҮРЗА и СҮР2В цитохрома Р450, а также белков-транспортеров, в частности Pgp.

Относительное количество CAR и PXR увеличивается в условиях ОС в ответ на накопление продуктов пероксидации [34, 35].

Роль Nrf2 в регуляции Pgp оценивали с использованием AEM1 (ARE expression modulator 1), блокирующим взаимодействие Nfr2 с ARE (antioxidant respons(iv)e element) и подавляющим экспрессию генов, контролируемых данным транскрипционным фактором. В ходе исследования показано, что AEM1 блокировал способность  $\mathbf{H_2O_2}$  и БСО (во всех применяемых концентрациях и сроках экспозиции) индуцировать Pgp.

Таким образом, Nrf2 принимает участие в регуляции Pgp в условиях как экзогенного, так и эндогенного ОС.

Ингибитор HIF1а KC7F2 (controls the biological activity of HIF1а) представляет собой симметричное соединение, которое избирательно подавляет клеточный синтез белка HIF1а, но не HIF1 $\beta$ , не влияя на транскрипцию мРНК HIF1а или стабильность белка HIF1а. КС7F2 при воздействии  ${\rm H_2O_2}$  и БСО в течение 24 ч нормализовал количество Pgp (препятствовал индуцирующему действию прооксидантов), а при воздействии в сочетании с  ${\rm H_2O_2}$  в течение 72 ч не оказывал значимого эффекта (относительное количество Pgp возрастало под действием пероксида водорода).

Таким образом, известны два транскрипционных фактора — Nrf2 и HIF1, которые принимают участие в регуляции Pgp при развитии как эндогенного, так и экзогенного ОС. Можно предположить, что оба фактора могут связываться с промотором гена MDR1, кодирующего Pgp, и повышать его экспрессию. Ранее нами было показано, что при развитии ОС Nrf2 вызывает повышение экспрессии

НІF1 $\alpha$  [33], т.е. действие Nrf2 может реализоваться через HIF1 $\alpha$ . Поскольку ингибирование Nrf2, в отличие от HIF1 $\alpha$ , препятствовало индукции Pgp во всех при инкубации 24 и 72 ч в условиях экзогенного и эндогенного ОС, то в клетке, видимо, одновременно функционируют два описанных механизма.

В представленной работе в качестве ингибитора САR использовали CINPA1 (CAR inhibitor not PXR activator 1), который взаимодействует и блокирует лигандсвязывающий домен САR и подавляет его связывание с коактиваторами [40]. Для ингибирования PXR использовали противогрибковый препарат группы азолов – кетоконазол, который связывается с областью AF-2 (activation function) на N-концевом лигандсвязывающем домене PXR и таким образом подавляет его активацию [41].

CINPA1 не подавлял индукцию Pgp под действием  ${\rm H_2O_2}$  при инкубации в течение 24 ч, а при воздействии в течение 72 ч препятствовал повышению уровня Pgp. Показано, что  ${\rm H_2O_2}$  вызывает индукцию CAR [34], который, в свою очередь, видимо, повышает экспрессию Pgp при экспозиции 72 ч.

Сочетанное применение БСО и CINPA1 предотвращало повышение относительного количества Pgp; уровень белка-транспортера не отличался достоверно от показателей в контроле.

Ингибитор РХR кетоконазол, применяемый совместно с  ${\rm H_2O_2}$ , не подавлял эффект индуктора ОС. В то же время кетоконазол полностью предотвращал повышение количества Pgp под действием БСО в концентрации 100 мкМ и лишь частично при концентрациях 10 и 50 мкМ. САR и РХR являются основными ксеносенсорными внутриклеточными рецепторами, т.е. они взаимодействуют с ксенобиотиками и запускают внутриклеточный ответ, направленный на их обезвреживание и выведение.

Можно предположить, что БСО, являясь ксенобиотиком, самостоятельно активирует САR и РХR, а они, в свою очередь, повышают экспрессию Pgp. Сохранение повышенного уровня Pgp при совместном применении БСО и глутатиона, выявленное в нашем исследовании, подтверждает данное предположение.

Интересно отметить, что при моделировании как экзогенного, так и эндогенного окислительного стресса, несмотря на одновременное участие в индукции Рдр разных транскрипционных факторов, ингибирование только одного из них приводило к подавлению повышения количества Рдр, что свидетельствует о том, что для индукции Рдр в определенных ситуациях необходимо совместное действие нескольких механизмов.

#### **ЗАКЛЮЧЕНИЕ**

Таким образом, в повышении количества Pgp при развитии экзогенного ОС, вызванного инкубацией клеток линии Caco-2 с  $\mathrm{H_2O_2}$ , вероятно, первостепенная роль принадлежит сигнальному пути Nrf2-Keap1, который участвует в регуляции белка-транспортера при длительности воздействия 24 и 72 ч. Транскрипционный фактор HIF принимает участие в регуляции Pgp при воздействии  $\mathrm{H_2O_2}$  в течение 24 ч, а транскрипционный фактор CAR — при времени инкубации 72 ч. PXR, видимо, не вносит существенный вклад в регуляцию белка-транспортера при данной модели ОС.

При моделировании эндогенного ОС на клетках Сасо-2 с помощью ингибитора синтеза глутатиона – БСО – установлено, что все протестированные транскрипционные факторы и сигнальные пути участвуют в индукции Pgp. Скорее всего, это связано с бимодальным влиянием БСО на Pgp. С одной стороны, он вызывает развитие ОС, с другой – будучи ксенобиотиком, может стимулировать РХR и САR. ●

#### СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- 1. Yakusheva E.N., Titov D.S. // Biochemistry (Moscow). 2018. V. 83.  $\mathbb{N}_2$  8. P. 907–929.
- 2. Han L.W., Gao C., Mao Q. // Expert Opinion on Drug Metabolism & Toxicology. 2018. V. 14. № 8. P. 817–829.
- 3. Chai A.B., Leung G.K.F., Callaghan R., Gelissen I.C. // FEBS J. 2020. V. 287. № 4. P. 612–625.
- 4. Wang G.X., Wang D.W., Liu Y., Ma Y.H. // Int. J. Neurosci. 2016. V. 126. № 5. P. 385–392.
- 5. Xu H.W., Xu L., Hao J.H., Qin C.Y., Liu H. // J. Int. Med. Res. 2010. V. 38. № 1. P. 34–42.
- Gao Y., Liao Y., Shen J.K., Feng Y., Choy E., Cote G., Harmon D., Mankin H.J., Hornicek F.J., Duan Z. // J. Orthop. Res. 2016. V. 34. № 9. P. 1606–1612.
- Sies H., Jones D.P. Oxidative stress. In Encyclopedia of stress. Amsterdam: Elsevier, 2007. P. 45–48.
- 8. Cabello-Verrugio C., Simon F., Trollet C., Santibañez J.F. //

- Oxid. Med. Cell. Longev. 2017. 4310469.
- 9. Ziemann C., Bürkle A., Kahl G.F., Hirsch-Ernst K.I. // Carcinogenesis. 1999. V. 20. № 3. P. 407–414.
- 10. Felix R.A., Barrand M.A. // J. Neurochem. 2002. V. 80.  $\mathbb{N}_2$  1. P. 64–72.
- 11. Hoshi Y., Uchida Y., Tachikawa M., Ohtsuki S., Couraud P., Suzuki T., Terasaki T. // J. Cerebral Blood Flow Metabolism. 2019. V. 40. № 2. P. 420–436.
- 12. Robertson S.J., Kania K.D., Hladky S.B., Barrand M.A. // J. Neurochem. 2009. V. 111.  $\mathbb{N}_2$  1. P. 132–141.
- 13. Hirsch-Ernst K.I., Ziemann C., Foth H., Kozian D., Schmitz-Salue C., Kahl G.F. // J. Cell Physiol. 1998. V. 176.  $N_2$  3. P. 506–515.
- 14. Miyata Y., Asano Y., Muto S. // Am. J. Physiol. Renal Physiol. 2002. V. 282. № 4. P. 718–729.
- Terada Yu., Ogura J., Tsujimoto T., Kuwayama K., Koizumi T., Sasaki Sh., Maruyama H., Kobayashi M., Yamaguchi H.,

#### ЭКСПЕРИМЕНТАЛЬНЫЕ СТАТЬИ

- Iseki K. // J. Pharm. Pharm. Sci. 2014. V. 17. № 2. P. 266–276. 16. Zhang Yu., Li Ju., Yang W., Xian Zh., Feng Q., Ruan X. // Int. J. Ophthalmol. 2017. V. 10. № 7. P. 1055–1063.
- 17. Shchulkin A.V., Abalenikhina Y.V., Erokhina P.D., Chernykh I.V., Yakusheva E.N. // Biochemistry (Moscow). 2021. V. 86. № 2. P. 197–206.
- 18. Seebacher N.A., Richardson D.R., Jansson P.J. // Br. J. Pharmacol. 2015. V. 172. № 10. P. 2557–2572.
- 19. Hilgers A.R., Conradi R.A., Burton P.S. // Pharmac. Res. 1990. V. 7.  $\mathbb{N}_{2}$  9. P. 902–910.
- 20. Haddad J.J. // Eur. Cytokine Netw. 2001. V. 12.  $\mathbb{N} \ _{2}$  4. P. 614–624.
- 21. Abalenikhina Yu.V., Erokhina P.D., Mylnikov P.Yu., Shchulkin A.V., Yakusheva E.N. // Appl. Biochem. Microbiol. 2022. V. 58. № 3. P. 232–242.
- 22. Rao R.K., Li L., Baker R.D., Baker S.S., Gupta A. // Am. J. Physiol. Gastrointest. Liver Physiol. 2000. V. 279. № 2. P. 332–340.
- 23. Bollong M.J., Yun H., Sherwood L., Woods A.K., Lairson L.L., Schultz P.G. // ACS Chem. Biol. 2015. V. 10. P. 2193–2198.
- 24. Ke Q., Costa M. // Mol. Pharmacol. 2006. V. 70. № 5. P. 1469–1480.
- 25. Cherian M.T., Lin W., Wu J., Chen T. // Mol. Pharmacol. 2015. V. 87. № 5. P. 878–889.
- 26. Kota B.P., Tran V.H., Allen J., Bebawy M., Roufogalis B.D. // Pharmacol. Res. 2010. V. 62. № 5. P. 426–431.
- 27. Bradford M.M. // Anal. Biochem. 1976. V. 7. № 72. P. 248–254.
- 28. Liguori I., Russo G., Curcio F., Bulli G., Aran L., Della-Morte D., Gargiulo G., Testa G., Cacciatore F., et al. // Clin. Interv. Aging. 2018. V. 26. № 13. P. 757–772.

- 29. Sies H. // Redox Biol. 2017. V. 11. P. 613-619.
- 30. Wagner B.A., Witmer J.R., van't Erve T.J., Buettner G.R. // Redox Biol. 2013. V. 1.  $\mathbb{N}_2$  1. P. 210–217.
- 31. Adeoye O., Olawumi J., Opeyemi A., Christiania O. // JBRA Assist. Reprod. 2018. V. 1. № 22. P. 61–66.
- 32. Li S., Yang Y., Ding X., Yang M., She S., Peng H., Xu X., Ran X., Li S., Hu P., et al. // Oncotarget. 2017. V. 17. № 8 (3). P. 4549–4562.
- 33. Абаленихина Ю.В., Мыльников П.Ю., Щулькин А.В., Черных И.В., Якушева Е.Н. // Бюл. эксп. биол. мед. 2022. Т. 173. № 3. С. 301–306.
- 34. Shchul'kin A.V., Abalenikhina Y.V., Seidkulieva A.A., Ryabkov A.N., Yakusheva E.N. // Bull. Exp. Biol. Med. 2021. V. 171. № 5. P. 615–618.
- 35. Abalenikhina Y.V., Sudakova E.A., Slepnev A.A., Seidkulieva A.A., Erokhina P.D., Shchulkin A.V., Yakusheva E.N. // Biochemistry (Moscow), Suppl. Ser. A: Membrane Cell Biol. 2022. V. 16. № 1. P. 21–28.
- 36. Bellezza I., Giambanco I., Minelli A., Donato R. // Biochim. Biophys. Acta Mol. Cell. Res. 2018. V. 1865. № 5. P. 721–733.
- 37. Schofield C.J., Ratcliffe P.J. // Biochem. Biophys. Res. Commun. 2005. V. 338.  $\mathbb{N}_2$  1. P. 617–626.
- 38. Ke Q., Costa M. // Mol. Pharmacol. 2006. V. 70. № 5. P. 1469–1480.
- 39. di Masi A., De Marinis E., Ascenzi P., Marino M. //Mol. Aspects Med. 2009. V. 30. № 5. P. 297–343.
- 40. Cherian M.T., Lin W., Wu J., Chen T. // Mol. Pharmacol. 2015. V. 87.  $\mathbb{N}_{2}$  5. P. 878–889.
- 41. Wang H., Huang H., Li H., Teotico D.G., Sinz M., Baker S.D., Staudinger J., Kalpana G., Redinbo M.R., Mani S. // Clin. Cancer Res. 2007. V. 13. № 8. P. 2488–2495.