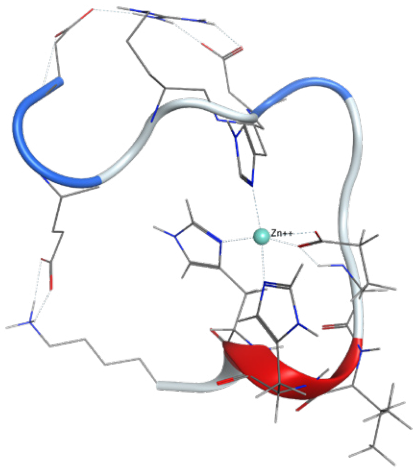
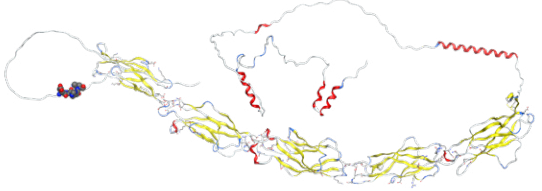
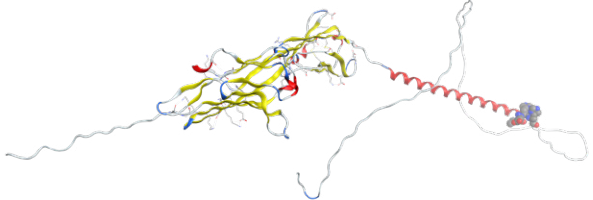
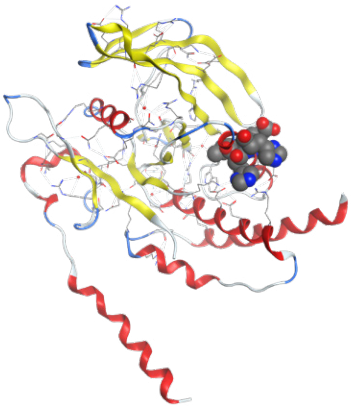
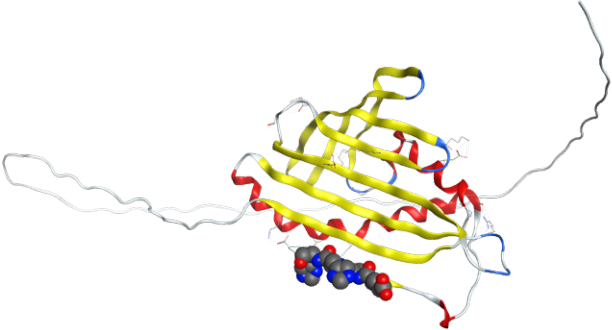
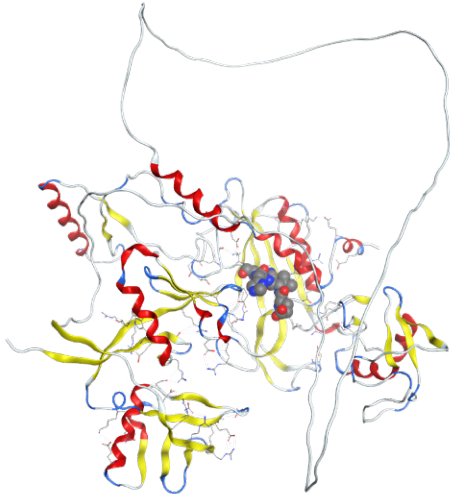
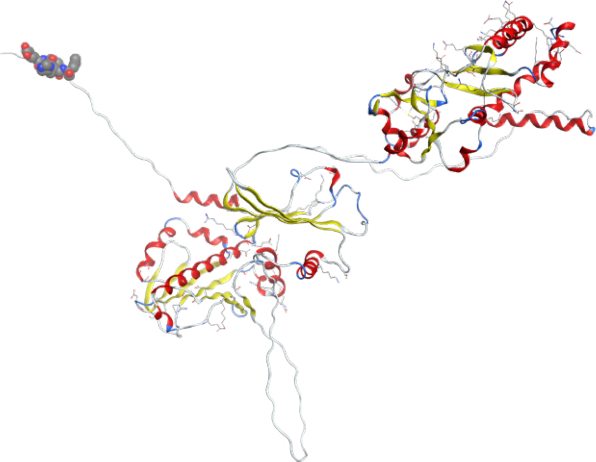


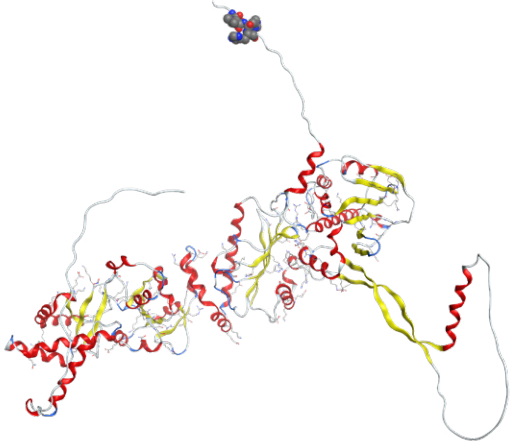
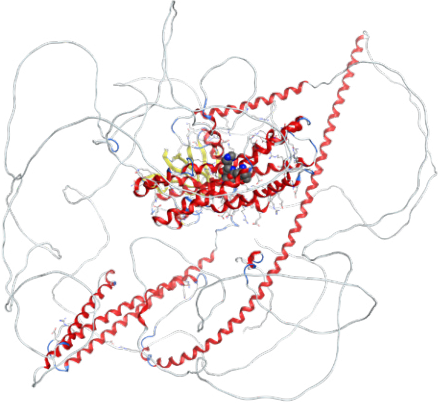
ПРИЛОЖЕНИЯ К СТАТЬЕ С. А. КОЗИНА И СОАВТ. «СЕРВЕР PepString ДЛЯ ПОИСКА КОРОТКИХ АМИНОКИСЛОТНЫХ ПОДПОСЛЕДОВАТЕЛЬНОСТЕЙ: ОПРЕДЕЛЕНИЕ ВОЗМОЖНЫХ МИШЕНЕЙ БЕТА-АМИЛОИДА»

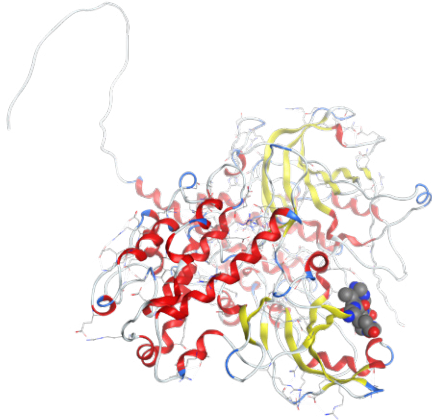
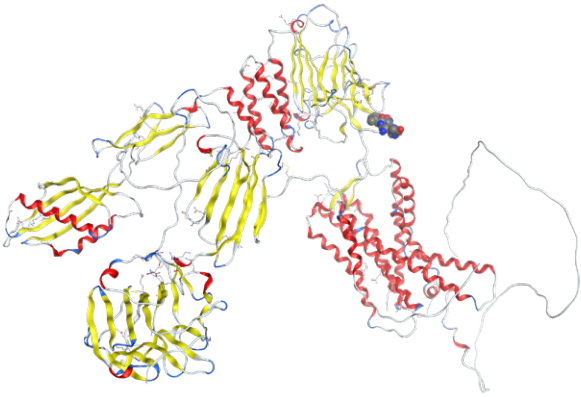
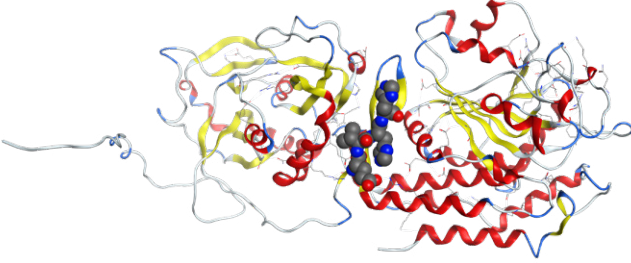
Таблица S1. Консервативность фрагмента EVNH в белках человека. Записи перечислены в порядке убывания консервативности всех изоформ, содержащих фрагмент EVNH

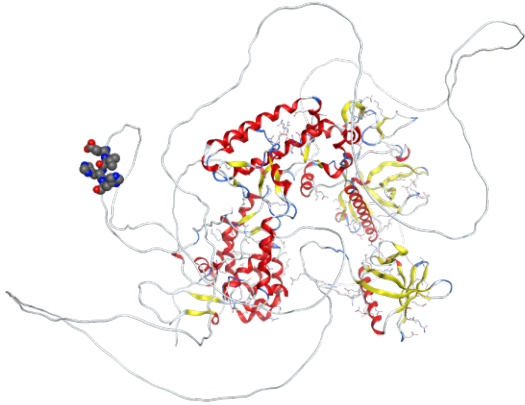
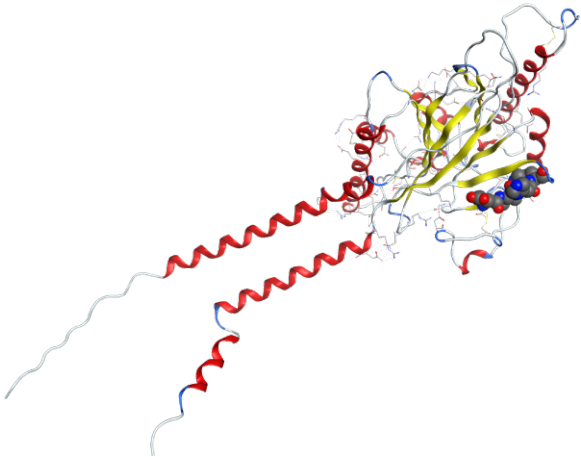
№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
1	885/985 (89.8%)	P05067 P05067-3 P05067-4 P05067-5 P05067-6 P05067-7 P05067-8 P05067-9 P05067-10 P05067-11	Белок-предшественник амилоида-бета	682-685	1ZE9: Zn ²⁺ -связывающий домен	YEVNHQ	 1ZE9 - with Zn ²⁺
2	683/800 (85.4%)	Q13634 Q13634-2	Кадгерин-18	46-49	AF-Q13634-F1: сайт EVNH является частью пропептида 25-53, в структуре модели AlfaFold расположен в неупорядоченной петле на поверхности белка	TEVNHR	
3	667/930 (71.7%)	P78310 P78310-2 P78310-6 P78310-7	Рецептор коксакивируса и аденовируса	272-275	AF-P78310-F1: сайт EVNH расположен в α-спирали на поверхности белка	KEVNHD	

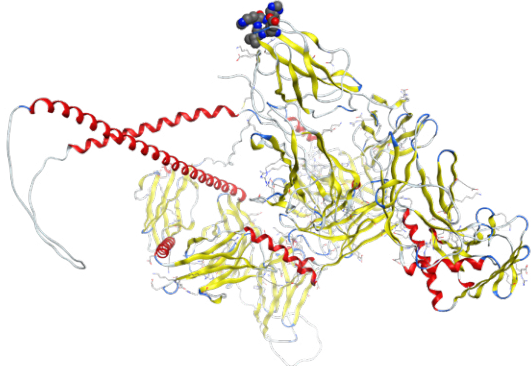
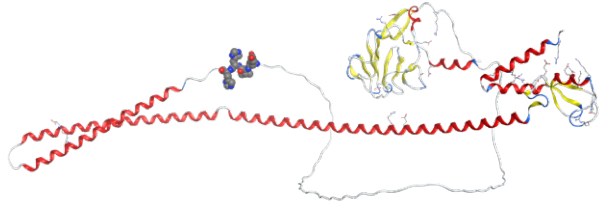
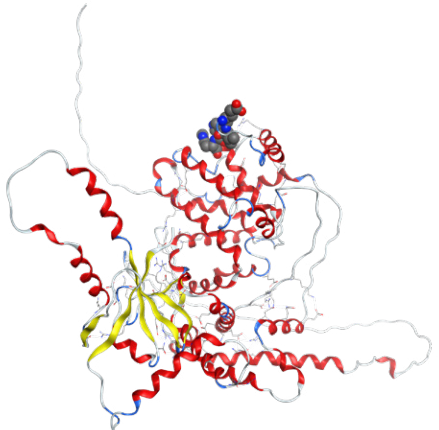
№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
4	437/995 (43.9%)	Q06124 Q06124-1 Q06124-3	Тирозин-протеинфосфатаза нерецепторного типа 11	441-444	3b7o: сайт EVNH расположен в α -спирали, на поверхности белка	EEVNHK	
5	405/950 (42.6%)	Q9H8M1 Q9H8M1-2	Митохондриальный гомолог В коэнзим-Q-связывающего белка COQ10	234-237	AF-Q9H8M1-F1: сайт EVNH является частью β -слоя, расположен на поверхности белка	HEVNHNT	

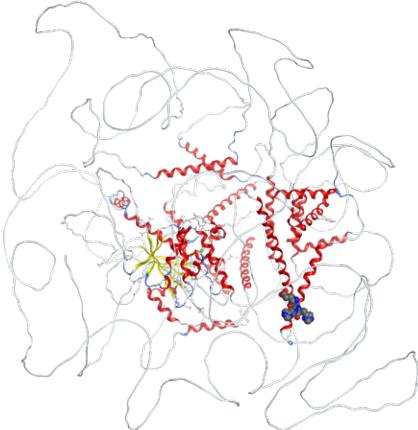
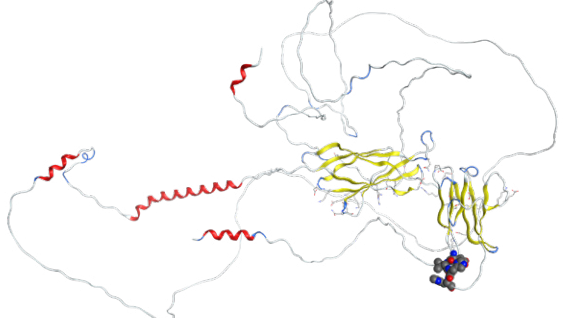
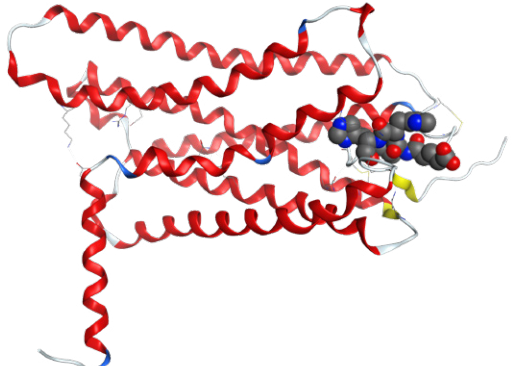
№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
6	276/965 (28.6%)	Q9Y2E6 Q9Y2E6-2	Е3-убиквитин-протеинлигаза DTX4	575–578	AF-Q9Y2E6-F1: сайт EVNH расположен в неупорядоченной петле, на поверхности белка	NEVHHK	
7	168/779 (21.6%)	Q03001-11	Нейрональная изоформа дистонина	101–104	Структура AlphaFold отсутствует	VEVHHQ	Структура AlphaFold отсутствует
8	154/844 (18.2%)	Q58FF7	Предполагаемый белок теплового шока HSP90-beta-3	4–7	AF-Q58FF7-F1: сайт EVNH расположен в N-концевом неупорядоченном участке, на поверхности белка	EEVHHG	

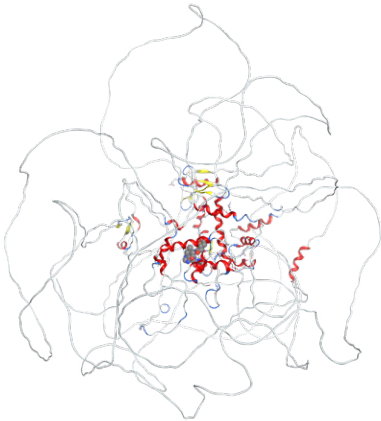
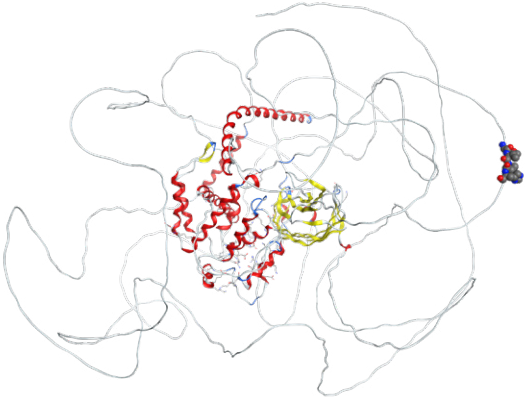
№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
9	133/859 (15.5%)	P08238	Белок теплового шока HSP 90-beta	4-7	3nmq, 1uym: absent, AF-P08238-F1: сайт EVNH расположен в N-концевом неупорядоченном участке, на поверхности белка	EEVHHG	
10	134/990 (13.5%)	Q6ZSZ5 Q6ZSZ5-1 Q6ZSZ5-2 Q6ZSZ5-5 Q6ZSZ5-6	Фактор обмена гуаниновых нуклеотидов Rho 18	459-462	AF-Q6ZSZ5-F1: сайт EVNH является частью α-спирали внутри белковой глобулы	TEVHHV	

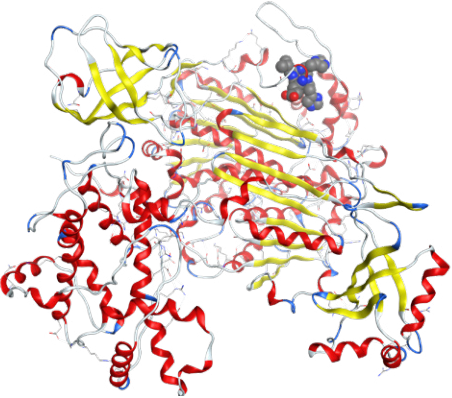
№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
11	105/1000 (10.5%)	O75676 O75676-2	Киназа рибосомного белка S6 альфа-4	471-474	AF-O75676-F1: сайт EVNH является частью β-слоя на поверхности белка	HEVNHD	
12	100/991 (10.1%)	Q86SQ4 Q86SQ4-2 Q86SQ4-3 Q86SQ4-4	Адгезионный G-белок-связанный рецептор G6	797-800	AF-Q86SQ4-F1: сайт EVNH расположен в петле домена GAIN B (PRU00098), опосредующего взаимодействия с ламинином-2, на поверхности белка	QEVNHP	
13	81/872 (9.6%)	Q7Z3D6 Q7Z3D6-2 Q7Z3D6-3 Q7Z3D6-4 Q7Z3D6-5	D-глутаматциклаза, митохондриальная	273-276	AF-Q7Z3D6-F1: сайт EVNH является частью β-слоя на поверхности белка	PEVNHI	

№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
14	47/522 (9.0%)	Q9Y4G2	Член 1 семейства M, содержащего домен гомологии плекстрина	233–236	AF-Q9Y4G2-F1: сайт EVNH является частью неупорядоченного участка на поверхности белка	<u>IEVNHS</u>	
15	87/974 (8.9%)	Q53F39 Q53F39-2 Q53F39-3 Q53F39-4	Металлофосфостераза 1	309–312	AF-Q53F39-F1: сайт EVNH расположен в β-слое на поверхности белка	<u>CEVNHG</u>	

№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
16	60/1000 (6.0%)	P54296	Миомезин-2	751–754	AF-P54296-F1: сайт EVNH расположен в повороте β -изгиба на поверхности белка	REVHHK	
17	48/959 (5.0%)	O76064 O76064-3	Е3-убиквитин-протеинлигаза RNF8	229–232	AF-O76064-F: сайт EVNH является частью неупорядоченной области на поверхности белка	TEVHNE	
18	48/1000 (4.8%)	Q5TG30	Белок 40, активирующий Rho GTPазу	392–395	AF-Q5TG30-F1: сайт EVNH расположен в петле на конце α -спирали, на поверхности белка	DEVHHN	

№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
19	43/998 (4.3%)	Q2M3C7 Q2M3C7-2	А-киназный якорный белок SPHKAP	682–685	AF-Q2M3C7-F1: сайт EVNH является частью α-спирали, окруженной неупорядоченными петлями	DEVHMK	
20	25/960 (2.7%)	P10912 P10912-2 P10912-3 P10912-4	Рецептор гормона роста	71–74	1axi: absent AF-P10912-F1: сайт EVNH расположен в неупорядоченной петле на поверхности белка	DEVHHG	
21	26/999 (2.6%)	Q8NH48	Обонятельный рецептор 5B3	171–174	AF-Q8NH48-F1: сайт EVNH расположен в петле, соединяющей две α-спирали, на поверхности белка	NEVHHF	

№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
22	4/262 (1.5%)	Q9H0D2 Q9H0D2-2	Белок с цинковыми пальцами 541	218–221	AF-Q9H0D2-F1: сайт EVNH является частью α-спирали домена C2H2-типа, расположен на поверхности белка	YEVNHG	
23	9/949 (0.9%)	Q5VT97 Q5VT97-2	Активирующий Rho GTPазу белок SYDE2	567–570	AF-Q5VT97-F1: сайт EVNH является частью неупорядоченной петли на поверхности белка	REVHNHT	

№	Консервативность	Идентификатор Uniprot	Название белка	Положение в последовательности	Идентификатор структуры, положение	Контекст последовательности	Положение в структуре
24	4/998 (0.4%)	P41226	Убиквитин-подобный модификаторактивирующий фермент 7	283–286	8se9: сайт EVNH является частью α-спирали на поверхности белка	<u>QEVNHA</u>	

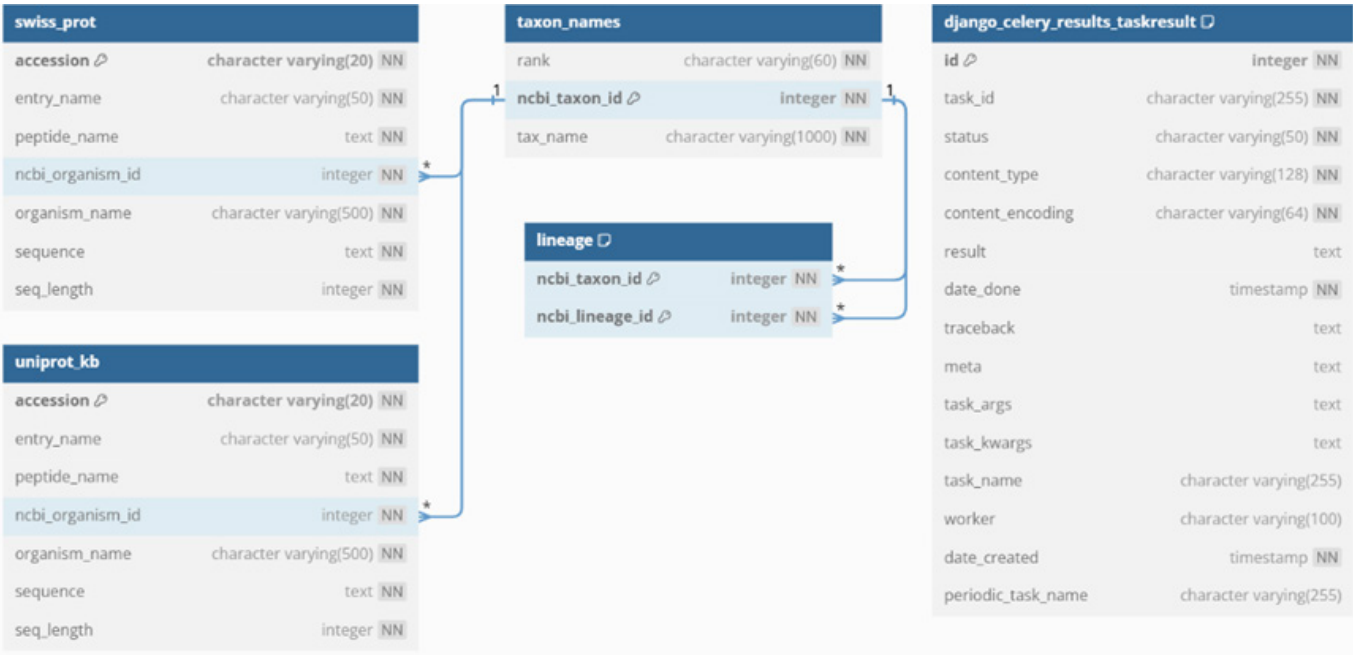


Рисунок S1. Структура базы данных PepString (сделано с помощью <https://dbdiagram.io/d>)