

Supplementary. Figure S2

doi: 10.17816/CP15494-145273

Genetic Associations of Anhedonia: Insights into Overlap of Mental and Somatic Disorders

Evgeny Kasyanov, Darya Pinakhina, Aleksandr Rakitko, Ekaterina Vergasova, Danat Yermakovich, Grigoriy Rukavishnikov, Larisa Malyshko, Yaroslav Popov, Elena Kovalenko, Anna Ilinskaya, Anna Kim, Nikolay Plotnikov, Nikolay Neznanov, Valeriy Ilinsky, Aleksandr Kibitov, Galina Mazo

Published Online: June 2024

This appendix is a part of the original submission.

The appendix is posted as it was supplied by the authors.

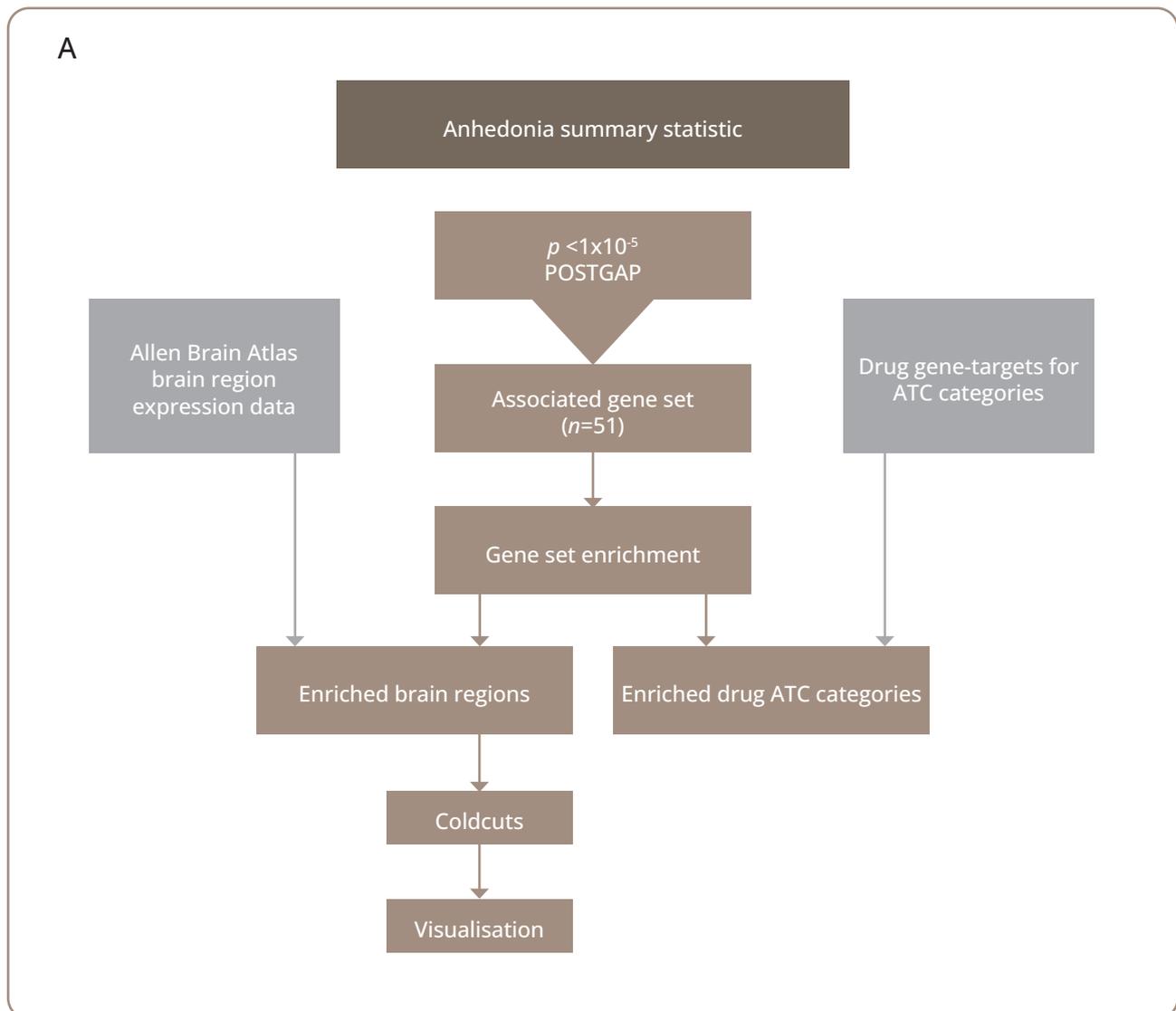


Figure S2. Enrichment analysis of lifetime anhedonia phenotype and expression levels of the genes associated with the leading ($p < 1 \times 10^{-5}$) variants across Allen Brain Atlas human brain regions. (A) The framework of enrichment analyses performed in the study.

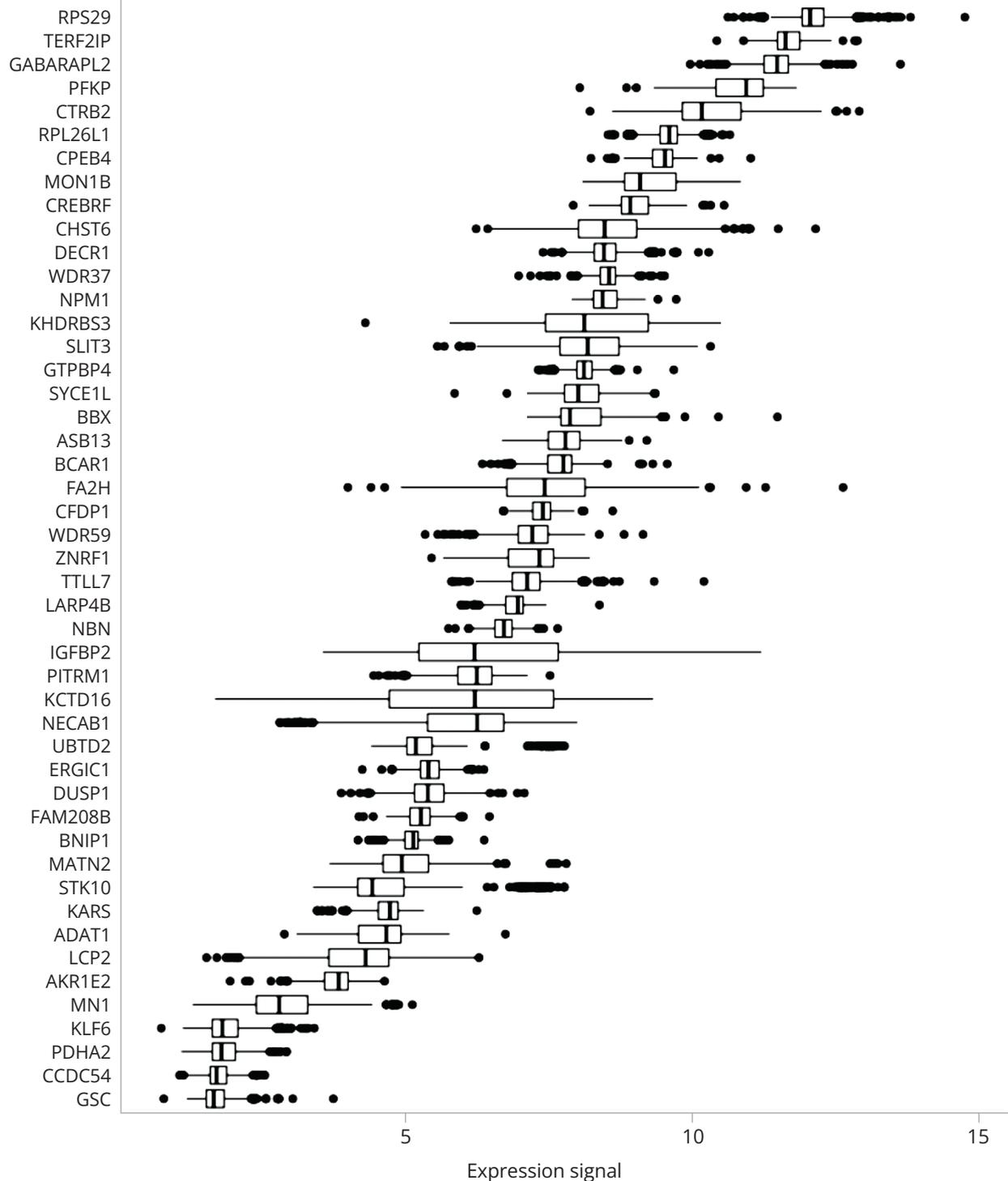
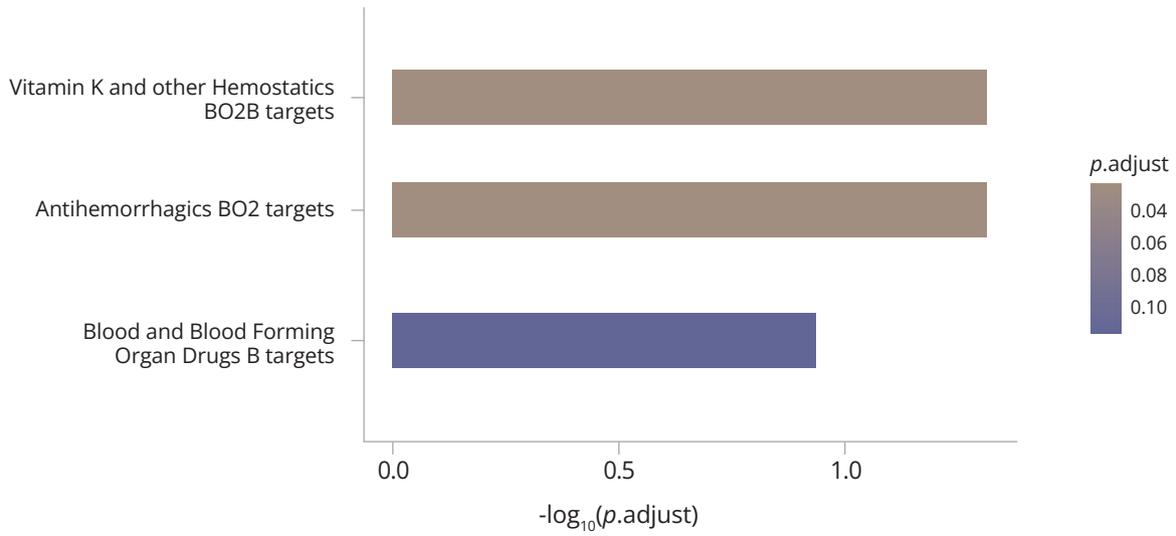
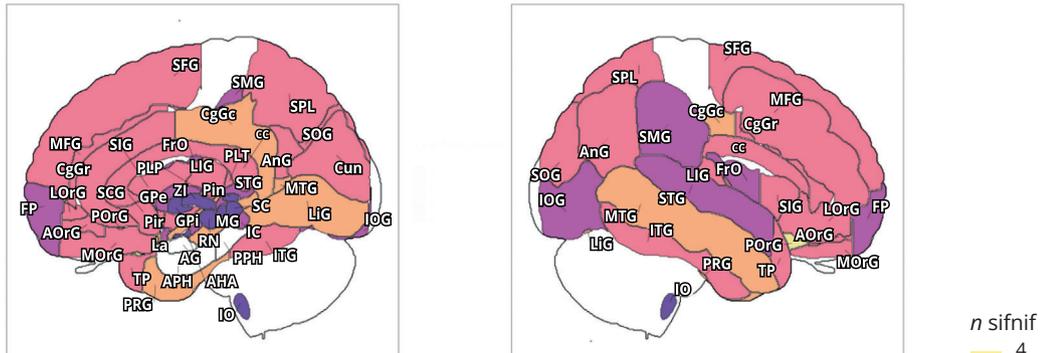
B

Figure S2. Enrichment analysis of lifetime anhedonia phenotype and expression levels of the genes associated with the leading ($p < 1 \times 10^{-5}$) variants across Allen Brain Atlas human brain regions. (B) Boxplots, comparing expression signals (average normalized expression levels) of the genes associated with the leading variants across 414 brain regions present in the human Allen Brain Atlas dataset (provided with the ABADData package).

C



D



E

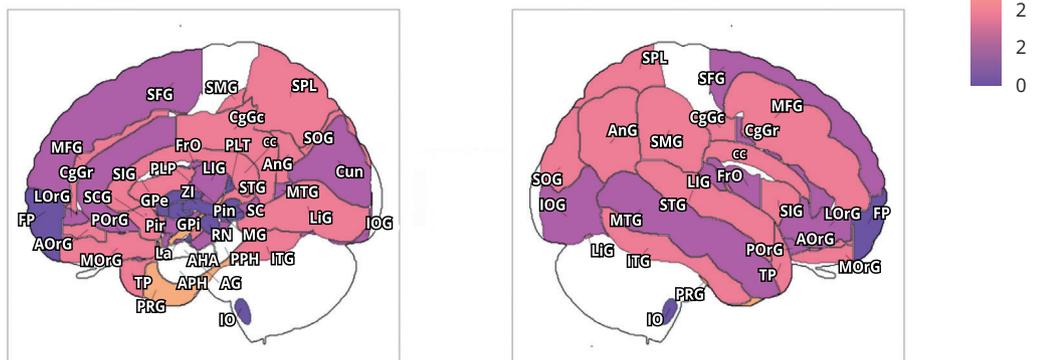


Figure S2. Enrichment analysis of lifetime anhedonia phenotype and expression levels of the genes associated with the leading ($p < 1 \times 10^{-5}$) variants across Allen Brain Atlas human brain regions. (C) A barplot, showing the results of ATC drug target enrichment analysis. (D) Maximal counts of brain region expression cutoffs at which the familywise error rate was below 0.05 visualized with Coldcuts, left hemisphere. (E) Maximal counts of brain region expression cutoffs for the left hemisphere at which the familywise error rate was below 0.05 visualized with Coldcuts, right hemisphere.

Дополнительные материалы.

Рисунок S2.

doi: 10.17816/CP15494-145273

Генетические ассоциации ангедонии: новые аспекты взаимосвязи психических и соматических расстройств

Евгений Касьянов, Дарья Пинахина, Александр Ракитко, Екатерина Вергасова, Данат Ермакович, Григорий Рукавишников, Лариса Малышко, Ярослав Попов, Елена Коваленко, Анна Ильинская, Анна Ким, Николай Плотников, Николай Незнанов, Валерий Ильинский, Александр Кибитов, Галина Мазо

Опубликована онлайн: июнь 2023

Это приложение является частью исходной статьи.

Приложение публикуется в том виде, в каком оно было предоставлено авторами.

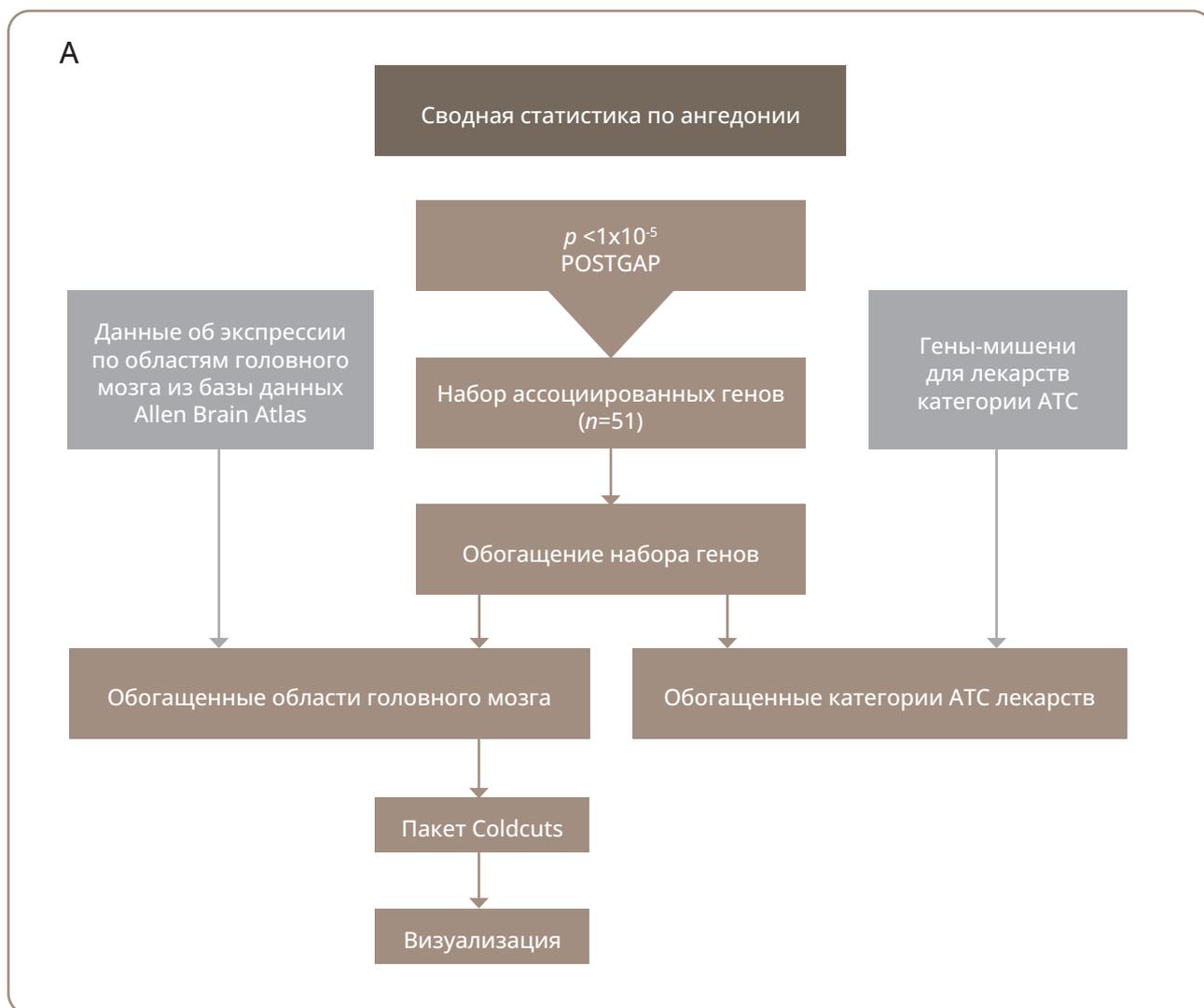


Рисунок S2. Анализ обогащения фенотипа в течение жизни ангедонии и уровней экспрессии генов, ассоциированных с ведущими ($p < 1 \times 10^{-5}$) вариантами в регионах мозга человека, входящих в Allen Brain Atlas. (А) Схема анализа обогащения, проведенного в исследовании.

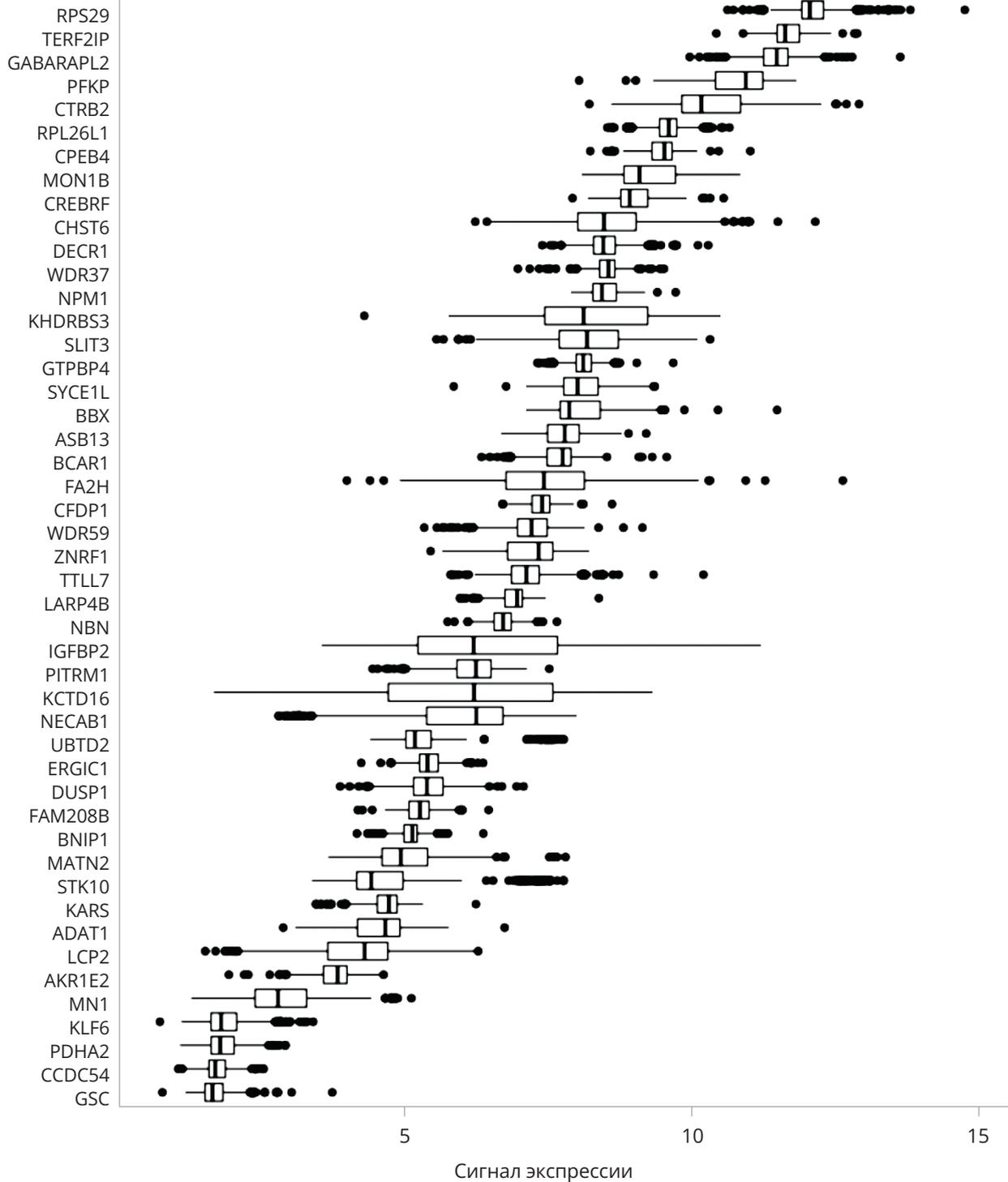
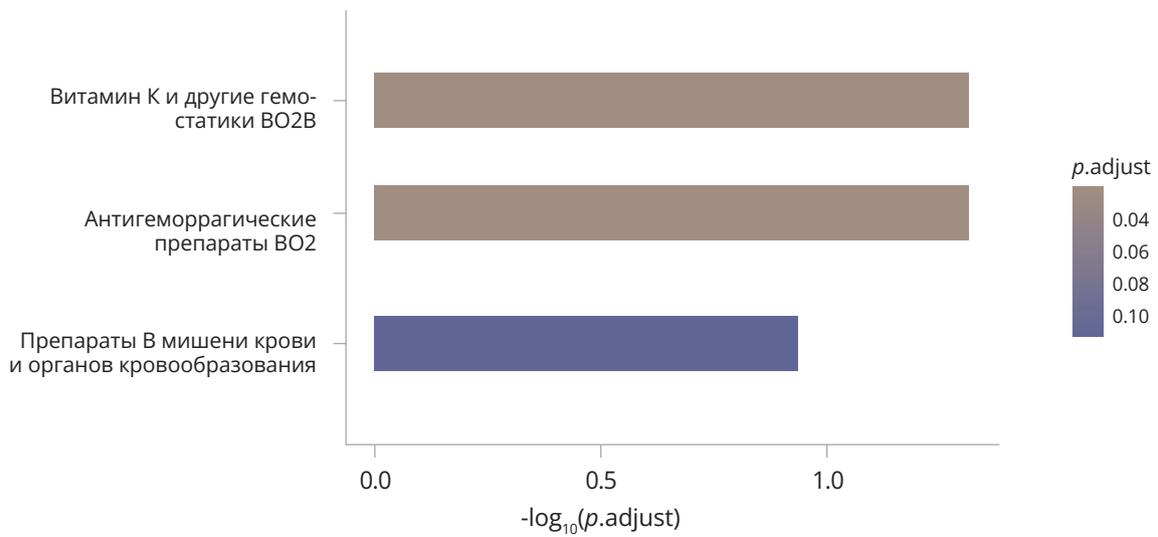
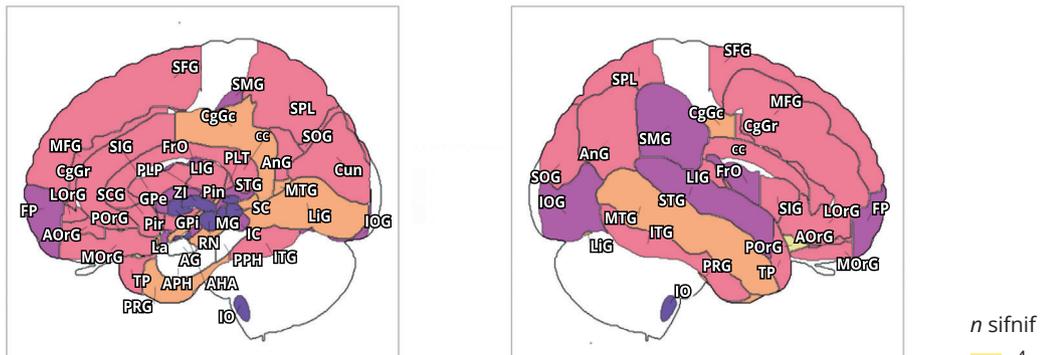
B

Рисунок S2. Анализ обогащения фенотипа пожизненной ангедонии и уровней экспрессии генов, ассоциированных с ведущими ($p < 1 \times 10^{-5}$) вариантами в регионах мозга человека, входящих в Allen Brain Atlas. (B) Коробчатая диаграмма сравнения сигналов экспрессии (средние нормализованные уровни экспрессии) генов, ассоциированных с ведущими вариантами, в 414 областях головного мозга, представленных в атласе Allen Brain Atlas (поставляется с пакетом ABADData).

C



D



E

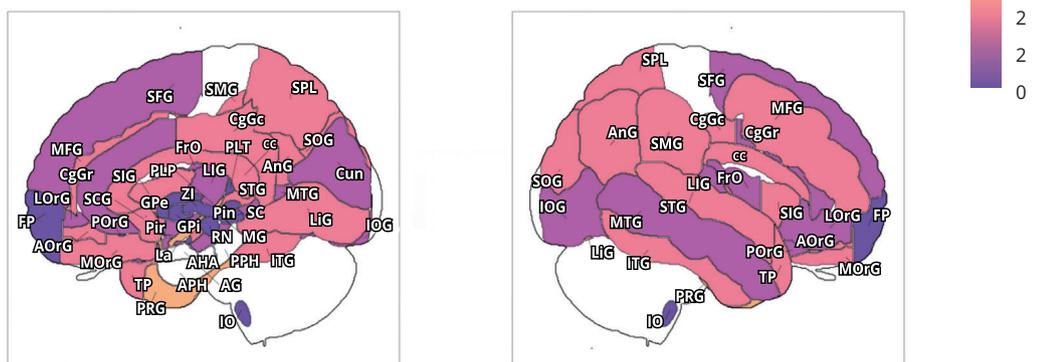


Рисунок S2. Анализ обогащения фенотипа пожизненной ангедонии и уровней экспрессии генов, ассоциированных с ведущими ($p < 1 \times 10^{-5}$) вариантами в регионах мозга человека, входящих в Allen Brain Atlas. (C) Гистограмма, показывающая результаты анализа обогащения мишеней лекарственных препаратов АТС обогащения. (D) Максимальное количество срезов экспрессии в регионах мозга, при которых семейный коэффициент ошибок был ниже 0,05 визуализировано с помощью Coldcuts, левое полушарие. (E) Максимальное количество срезов экспрессии регионов мозга для левого полушария, при которых уровень семейных ошибок был ниже 0,05, визуализированных с помощью Coldcuts, правое полушарие.